



Dziekany

Nr zamówienia ZZ/ 23/002/U/2018

Gdańsk, dnia 21.06.2018r.

ZAPYTANIA I ODPOWIEDZI

Dotyczy: zamówienia na usługi analizy metagenomowej DNA wyizolowanego z próbek osadów ściekowych ze złóż trzcinowych .na potrzeby Wydziału Inżynierii Lądowej i Środowiska Politechniki Gdańskiej

Zamawiający informuje, że w dniu 20 i 21 czerwca 2018r wpłynęły zapytania Wykonawców o brzmieniu:

Pytanie 1

W tytule postępowania wspominają Państwo o analizie metagenomowego DNA, a następnie w wymaganiach mowa jest o przygotowaniu amplikonów. Zarówno sekwencjonowanie metagenomowego DNA i sekwencjonowanie amplikonów to dwie różne usługi. NGS aplikonów wycenia się na podstawie długości tych amplikonów, natomiast tutaj nie wiemy jakiej długości będą fragmenty.

Sekwencjonowanie amplikonów oferuje odpowiednie i wygodne profilowanie taksonomiczne dużej ilości próbek. Pozwala wykryć różnice między drobnoustrojami.

Sekwencjonowanie metagenomowe nie opiera się na zestawie konkretnych primerów, co uwalnia tą metodę od błędów powstających podczas PCR tzw. PCR bias. Umożliwia to dokładniejsze zbadanie próbek i bardziej wiarygodne wyniki.

Może chodzić Państwu o przygotowanie biblioteki do sekwencjonowania zamiast przygotowania amplikonów?

Pytanie 2

W punkcie 2 oferty zawarta jest usługa "przygotowania amplikonów na otrzymanych próbkach wyizolowanego DNA". Standardowo w takiej procedurze wykorzystywane jest sekwencjonowanie regionów hiperzmiennych V3-V4 bakteryjnego genu 16S rRNA. Proszę o doprecyzowanie czy taka metodyka zgodna jest z Państwa oczekiwaniami.

W punkcie 3 oferty zawarta jest usługa "Sekwencjonowania oraz podstawowa analiza bioinformatyczna". Proszę o doprecyzowanie trybu sekwencjonowania, np. w trybie paired-end 2 x 300 pz na platformie Illumina MiSeq lub 2 x 150 pz na platformie NextSeq, czy też zostawiacie Państwo tutaj dowolność Wykonawcy. Proszę o podanie parametru oczekiwanego pokrycia



**POLITECHNIKA
GDAŃSKA**

WYDZIAŁ INŻYNIERII LĄDOWEJ
I ŚRODOWISKA

sekwencjonowania (np. 50 000 x) jeśli Państwo takiego wymagają.

Odpowiedź

Przedmiotem zamówienia jest izolacja genomowego DNA z próbek osadu ściekowego, wykonanie na bazie pozyskanego DNA sekwencjonowania NGS regionu V3-V4 genu kodującego 16S rRNA, oczekiwana długość odczytu 250 par zasad.

Dziekan
Wydziału Inżynierii Lądowej i Środowiska
prof. dr hab. inż. Krzysztof Wilde, prof.zw.PG



POLITECHNIKA GDAŃSKA
Wydział Inżynierii Lądowej i Środowiska
ul. G. Narutowicza 11/12
80-233 Gdańsk

Tel.: +48 58 347 22 05
Fax: +48 58 347 20 44
e-mail: biurowyd@pg.gda.pl
www.wilis.pg.gda.pl



POLITECHNIKA GDAŃSKA

WYDZIAŁ INŻYNIERII LĄDOWEJ
I ŚRODOWISKA



POLITECHNIKA GDAŃSKA
Wydział Inżynierii Lądowej i Środowiska
ul. G. Narutowicza 11/12
80-233 Gdańsk

Tel.: +48 58 347 22 05
Fax: +48 58 347 20 44
e-mail: biurowyd@pg.gda.pl
www.wilis.pg.gda.pl